

Die Mission des Berlin Institute of Health in der Charité (BIH) ist die medizinische Translation: Erkenntnisse aus der biomedizinischen Forschung werden in neue Ansätze zur personalisierten Vorhersage, Prävention, Diagnostik und Therapie übertragen, umgekehrt führen Beobachtungen im klinischen Alltag zu neuen Forschungsideen. Ziel der rund 400 Wissenschaftler\*innen ist es, einen relevanten medizinischen Nutzen für Patient\*innen und Bürger\*innen zu erreichen. Dazu etabliert das BIH als Translationsforschungsbereich in der Charité ein umfassendes translationales Ökosystem, setzt auf ein organübergreifendes Verständnis von Gesundheit und Krankheit und fördert einen translationalen Kulturwandel in der biomedizinischen Forschung. Das BIH wurde 2013 gegründet und wird zu 90 Prozent vom Bundesministerium für Bildung und Forschung (BMBF) und zu zehn Prozent vom Land Berlin gefördert. Die Gründungsinstitutionen Charité – Universitätsmedizin Berlin und Max-Delbrück-Centrum für Molekulare Medizin in der Helmholtz-Gemeinschaft (MDC) waren bis 2020 eigenständige Gliedkörperschaften im BIH. Seit 2021 ist das BIH als dritte Säule in die Charité integriert; das MDC ist Privilegierter Partner des BIH.

Für das BIH Center for Digital Health, Computational Medicine suchen wir  
**zum nächstmöglichen Zeitpunkt befristet für 3 Jahre** eine\*n

### Computational Geneticist/ Genome Sequencing Analyst (w/m/d)

Hiermit laden wir Forscher\*innen mit herausragenden Genanalysekompetenzen ein sich unserem Team am BIH@Charité anzuschließen (<https://www.bihealth.org/en/research/research-groups/claudia-langenberg>). Wir suchen Bewerber\*innen aller Erfahrungsstufen (von Doktorand\*innen bis hin zu erfahrenen Postdoktorand\*innen). Ziel dieser Stelle ist es die genetische Architektur verschiedener Aspekte des menschlichen Stoffwechsels anhand von groß angelegten populationsbasierten- und Patienten-Daten zu charakterisieren und diese Erkenntnisse in Strategien zur Verbesserung der Gesundheit umzusetzen. Wir sind weltweit führend in der Identifizierung und Charakterisierung genetischer Merkmale molekularer Entitäten, wie Metaboliten und Proteinen, um so die genetische Regulation von häufigen, komplexen Erkrankungen besser zu verstehen und neue Drugtargets, Indikationen und Krankheitsmechanismen zu entdecken.

#### Ihr Arbeitsgebiet:

Unsere Arbeitsgruppe ist mit der MRC Epidemiology Unit an der University of Cambridge, UK, verbunden und baut im Rahmen der internationalen strategischen Partnerschaft der Berlin University Alliance mit der University of Oxford, UK, Verbindungen zum Wellcome Centre for Human Genetics und Big Data Institute auf. Eine enge Zusammenarbeit mit diesen Einrichtungen und Besuche sind im Rahmen dieser Stelle erwünscht. Die Stelle ist zunächst auf drei Jahre befristet. Je nach Qualifikation werden die Doktoranden in Teilzeit, jedoch mindestens zu 65 % einer Vollzeitstelle beschäftigt. Entsprechend der fachlichen Qualifikation wird der erfolgreiche Kandidat/die erfolgreiche Kandidatin an hochrangigen wissenschaftlichen Veröffentlichungen mitwirken, das Team bei nationalen und internationalen Kollaborationen und Tagungen vertreten und zur Betreuung von Nachwuchswissenschaftler\*innen beitragen.

- Entwicklung von Analyseworkflows für die Verarbeitung von großen Genomsequenzierungsprojekten aus der UK Biobank, insbesondere Priorisierungsstrategien und statistische Workflows für die Analyse seltener und struktureller Varianten
- Anfertigung wissenschaftlicher Veröffentlichungen
- Verwaltung großer phänotypischer Datensätze für genetische Analysen unter Einbeziehung von elektronischen Gesundheitsakten

- Integration verschiedener Arten von „omics“-Daten für kausale Inferenz zur Priorisierung von Drugtargets und Krankheitsmechanismen
- Ausbildung und Betreuung von Master- und PhD-Studierenden innerhalb der Gruppe in statistischer Genetik.

#### Ihr Profil:

- Wissenschaftlicher Abschluss/Promotion in statistischer Genetik, genetischer Epidemiologie oder einem eng verwandten Fachgebiet mit einschlägiger Erfahrung in der Verfassung und Publikation von wissenschaftlichen Artikel (nur Postdocs)
- Umfassende, nachweisbare Erfahrung in mehreren der folgenden Bereiche: 1) Generierung und/oder Analyse von genetischen und genomischen Hochdurchsatzdaten, 2) Assoziationsanalysen im Genom-Maßstab unter Verwendung von Ganzgenom- oder Exom-Sequenzierungsdaten, 3) Fachkenntnisse auf hohem Niveau in der Computergenetik, z. B. Variantenannotation
- Umfassende, nachweisbare Erfahrung mit den relevanten Programmier- und Skriptsprachen (z. B. R oder Python)
- Begabung für biologische Schlussfolgerungen und klinische Übertragung
- Sehr gute Sprachkenntnisse in Englisch (Sprechen und Schreiben)
- Wünschenswerte und nützliche Kenntnisse und Erfahrungen: Metabolom- und Proteomdaten und -technologien, Bayes'sche Statistik, einschließlich Fine-mapping, Mendel'sche Randomisierung, Cloud-Computing-Dienste, Verknüpfung elektronischer Patientenakten

### Wir bieten:

- Eine abwechslungsreiche Tätigkeit in einem zukunftsweisenden Forschungsinstitut
- Eine befristete Vollzeitstelle (39h/Woche), Doktoranden in Teilzeit, jedoch mindestens zu 65 % einer Vollzeitstelle beschäftigt
- Vergütung unter Berücksichtigung der persönlichen Voraussetzungen bis E13 TVÖD VKA-K
- Zusätzliche im öffentlichen Dienst übliche Leistungen (u.a. Jahressonderzahlung, VBL)
- Gezielte Einarbeitung sowie gute Weiterbildungsmöglichkeiten
- 30 Urlaubstage pro Jahr (bei einer Fünf-Tage-Woche) sowie bis zu 24 Gleittage pro Jahr
- Flexible Arbeitszeiten und Möglichkeiten des Homeoffice zur besseren Vereinbarkeit von Beruf und Privatleben

### Wir leben Vielfalt!

Das BIH fordert qualifizierte Frauen nachdrücklich zur Bewerbung auf. Bewerbungen von Menschen mit Migrationshintergrund, die die Einstellungsbedingungen erfüllen, sind ausdrücklich erwünscht. Schwerbehinderte Bewerberinnen und Bewerber sowie ihnen Gleichgestellte werden bei gleicher Eignung bevorzugt berücksichtigt.

Ihre Bewerbung reichen Sie bitte über das **BIH Karriereportal <https://jobs.bihealth.org>** bis zum **23.09.2022** unter Angabe der Kennziffer **BIH-80.22** ein.

Bei Fragen melden Sie sich gern an Dr. Maik Pietzner (E-Mail: [maik.pietzner\(at\)bih-charite.de](mailto:maik.pietzner(at)bih-charite.de)).

Nähere Informationen zum BIH finden Sie unter [www.bihealth.org](http://www.bihealth.org).